

Klinisches Institut für Neurologie (Obersteiner Institut)

Leiter: Univ.Prof. Dr. med. Johannes A. Hainfellner

Medizinische Universität Wien - Allgemeines Krankenhaus, Leitstelle 4J, Währinger Gürtel 18 – 20, A-1097 Wien, Österreich;
www.kin.at

DVR: 0797154

Begleitschein für neuromolekularbiologische Untersuchungen

Stand: 2016-04-17

FAMILIENNAME, Vorname: (alternativ bitte Patientenetikette aufkleben)		EINSENDER (Stempel):	
Geburtsdatum:	<input type="checkbox"/> weiblich <input type="checkbox"/> männlich	Material: <ul style="list-style-type: none"> ▪ Paraffinmaterial (Block) ▪ 10 - 20 mL EDTA-Blut (außer für Immunoblot-Analyse) ▪ Versand bei Raumtemperatur! 	
Adresse:			
Aufnahmezahl:		Abnahmedatum:	
Kostenträger: <input type="checkbox"/> Stat. Allg. Kl. <input type="checkbox"/> Amb. <input type="checkbox"/> Stat. Sonderkl. <input type="checkbox"/> Selbstz. <input type="checkbox"/> Forschung		Krankenkasse / SVA-Nr.:	
Achtung: Wir dürfen die Untersuchung aus Blutproben nur durchführen, wenn uns die Einwilligungserklärung des Patienten vorliegt! Das Formular kann von unserer Homepage (www.meduniwien.ac.at/hp/kin/diagnostik/neuromolekularbiologie) als PDF heruntergeladen werden.			
Informationen zur Diagnostik			
<ul style="list-style-type: none"> ▪ <u>Indexpatient bekannt</u> Verwandschaftsverhältnis: _____ Falls Mutation bekannt: Gen: _____ Mutation: _____ ▪ <u>Kein Indexpatient bekannt</u> Begründung für prädiagnostische Diagnostik: _____ 		Symptome:	
Neuroonkologische Erkrankungen		Neurodegenerative Erkrankungen	
Gliom <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des IDH1-Gens (Codon 132) <input type="checkbox"/> Sequenzierung des IDH2-Gens (Codon 172) <input type="checkbox"/> Sequenzierung des TERT-Promotors (C228T, C250T) <input type="checkbox"/> Methylierungsstatus des MGMT-Promoters mittels Pyrosequenzierung <input type="checkbox"/> Analyse des Heterozygotieverlusts auf 1p/19q mittels MLPA Medulloblastom <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des CTNBN1-Gens (Exon 3) <input type="checkbox"/> Sequenzierung des SUFU-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des SMO-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des PTCH1-Gens <input type="checkbox"/> Quantitative Bestimmung der mRNA Expression von TRKC und CMYC Atypisch teratoid-rhabdoider Tumor <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des SMARCB1-Gens <input type="checkbox"/> Genetische Analyse des SMARCB1-Lokus auf Chromosom 22 mittels MLPA Schwannom, Meningeom <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des NF2-Gens 		Alzheimer-Demenz <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des APP-Gens (Exon 16 und 17) <input type="checkbox"/> Sequenzierung des PSEN1-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des PSEN2-Gens Frontotemporale Demenz ± ALS <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des MAPT-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des GRN-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des TARDBP-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des FUS-Gens Genetisch bedingte CJK <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des PRNP-Gens 	
		Neuromuskuläre Erkrankungen	
		Amyotrophe Lateralsklerose (ALS) <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des SOD1-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des TARDBP-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des FUS-Gens Gliedergürteldystrophie <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Sequenzierung des CALP3-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des FKTN-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des FKRP-Gens <input type="checkbox"/> Sequenzierung des DYSF-Gens Sonstige Muskeldystrophien <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Dystrophinprotein (Immunoblot) <input type="checkbox"/> Dystrophin-assoziierte Proteine (Immunoblot) 	

Datum,

Unterschrift des Anforderers,

Name in Blockschrift

Telefonnummer für evtl. Rückfragen